



ヒト感染高病原性鳥インフルエンザ A (H5N6) ウィルス : ウィルス学的臨床学的発見

全球流感资讯网 www.flu.org.cn 2015-07-11 13 : 05 J Infect 2015 Jul 1. pii: S0163-4453(15)00220

J Infect 2015 Jul 1. pii: S0163-4453(15)00220

PAN M, Gao R, Lu Q, Huang S, etc.

目的： ヒト感染高病原性鳥インフルエンザ A (H5N6) ウィルスの感染は **2014** 年に中国で初めて確認された。これが病気によるものかヒトによる病原体なのかは不明或いは不明確だ。本研究では、ウィルス学的、臨床的な **H5N6** ウィルス感染死亡者から発見されたことに関して説明してゆきたい。

方法： 我々は、患者の臨床的、疫学的且つウィルス学的データを入手し分析した。原因となる病原体の決定のために **RT-PCR**、ウィルスの培養及びシーケンシングを行う。

結果： 発熱と重症肺炎、白血球減少、リンパ球減少を伴った患者は、敗血症性ショックや **ARDS** (急性呼吸促迫症候群) に陥り、発症後わずか **10** 日で死亡している。再集合体鳥由来インフルエンザ A (H5N6) ウィルスは、患者の鼻咽頭拭い液或いは気管吸引物から分離された。このウィルスは、グレード **2.3.4.4 H5** の **HA** 遺伝子と、**H6N6** 鳥ウィルスの **NA** 遺伝子から再集合された。 **H5N6** ウィルスを示す複数のアミノ酸を含んだ **HA** 遺伝子遺伝子の切断部位は、鳥に対して高い病原性を示していた。

結論： **H6N6** ウィルスから得られた **NA** 遺伝子から得られた **H5N1** ウィルスをバックボーンにもつ高病原性の鳥インフルエンザ **H5N6** ウィルスが初めて確認され、重症肺炎を伴うヒトへの感染を引き起こした。

http://www.flu.org.cn/en/article_detail.asp?articleId=9752

..... 以下は中国語原文

Human infection with a novel highly pathogenic avian influenza A (H5N6) virus: Virological and clinical findings

全球流感资讯网 www.flu.org.cn 2015-07-11 13 : 05 J Infect 2015 Jul 1. pii: S0163-4453(15)00220

J Infect 2015 Jul 1. pii: S0163-4453(15)00220

PAN M, Gao R, Lu Q, Huang S, etc.

OBJECTIVES: Human severe infection with avian influenza A (H5N6) virus infection was identified firstly in 2014 in China. It was unknown or unclear on the disease or the pathogen by people. This study would illustrate the virological and clinical findings of a fatal human case with H5N6 virus infection.

METHODS: We obtained and analyzed the clinical, epidemiological and virological data from the patient. RT-PCR, viral culture and sequencing were conducted for determination of causative pathogen.

RESULTS: The patient who presented with fever, severe pneumonia, leucopenia and lymphopenia, developed septic shock and ARDS, and died on day 10 after illness onset. A novel reassortant avian-origin influenza A (H5N6) virus was isolated from the throat swab or trachea aspirate of the patient. The virus was reassorted with HA gene of Clade 2.3.4.4 H5, internal genes of Clade 2.3.2.1 H5 and NA gene of H6N6 avian viruses. The cleavage site of HA gene contained multiple basic amino acids indicating the novel H5N6 virus was highly pathogenic in chicken.

CONCLUSIONS: A novel highly pathogenic avian influenza H5N6 virus with the backbone of H5N1 virus acquired NA gene from H6N6 virus was first identified, and caused human infection with severe respiratory disease.

相关链接：

<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/m/pubmed/26143617/>